SISPROT® PAC

助力单细胞蛋白质组学，定义超微量样本前处理新标准。

产品简介

SISPROTR® PAC 试剂盒专为**超微量样本**处理而设计，在**纳克水平**上提供稳定性能。它是**单细胞分辨率**空间蛋白质组学和组织微环境分析的理想解决方案。该系统支持广泛的投入量范围，并针对以下场景进行了专门优化：

- **< 0.1 mm² & 500–100,000 个细胞：** 兼容 LCM 组织样本及超微量细胞数，实现单细胞分辨率空间蛋白质组学。
- **纳克级灵敏度：** 专为组织微环境及外泌体分析中的纳克级样本稳定处理而设计。

1 ng	> 3,500	6h	CV < 10%	> 0.93
蛋白起始量	鉴定蛋白数（1 ng 蛋白量）	完成 24 个样本	重现性稳定	皮尔森相关性高

产品特点

超微量样本

可以处理低至 **1 ng** 蛋白的超微量样本

高灵敏度、高覆盖度

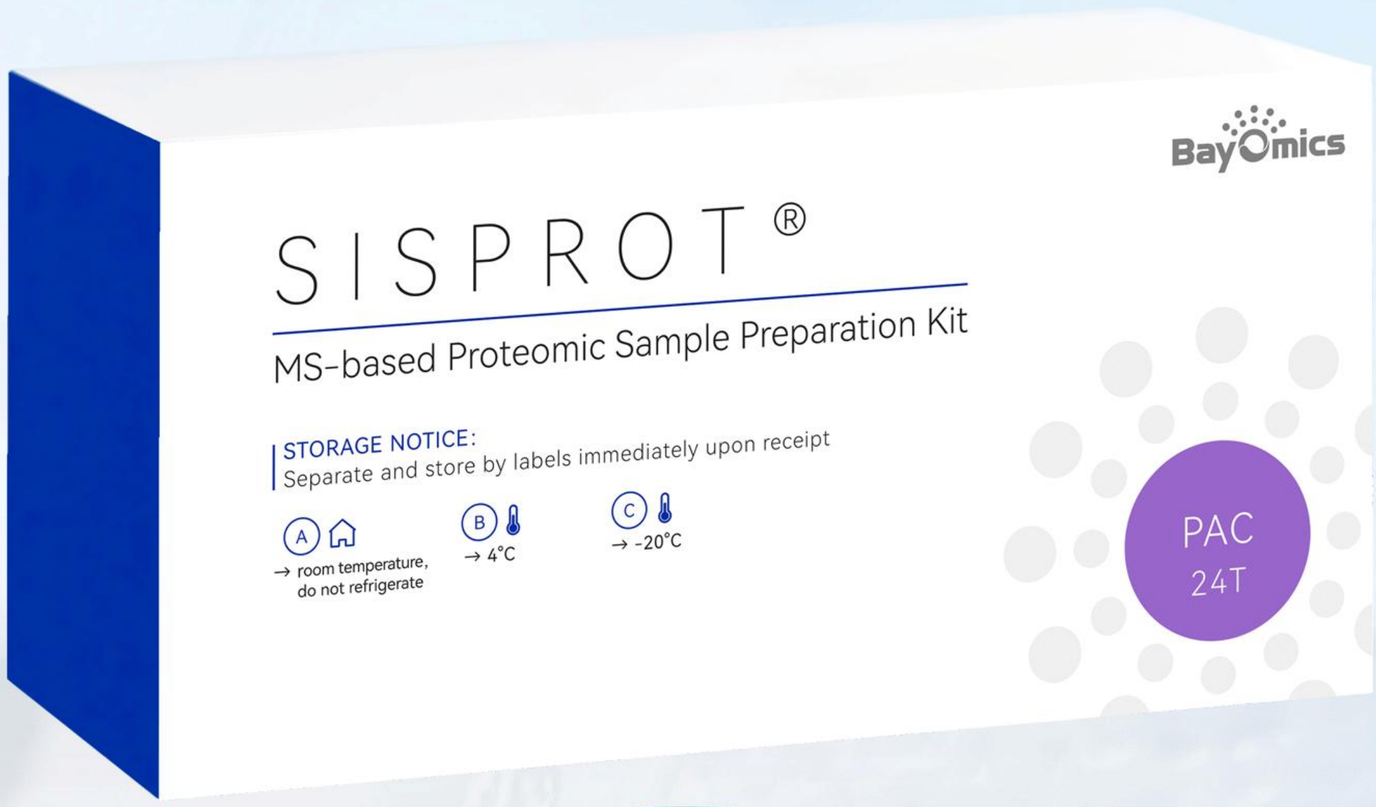
1 ng 蛋白样本可稳定检测到约 **3500** 种蛋白质

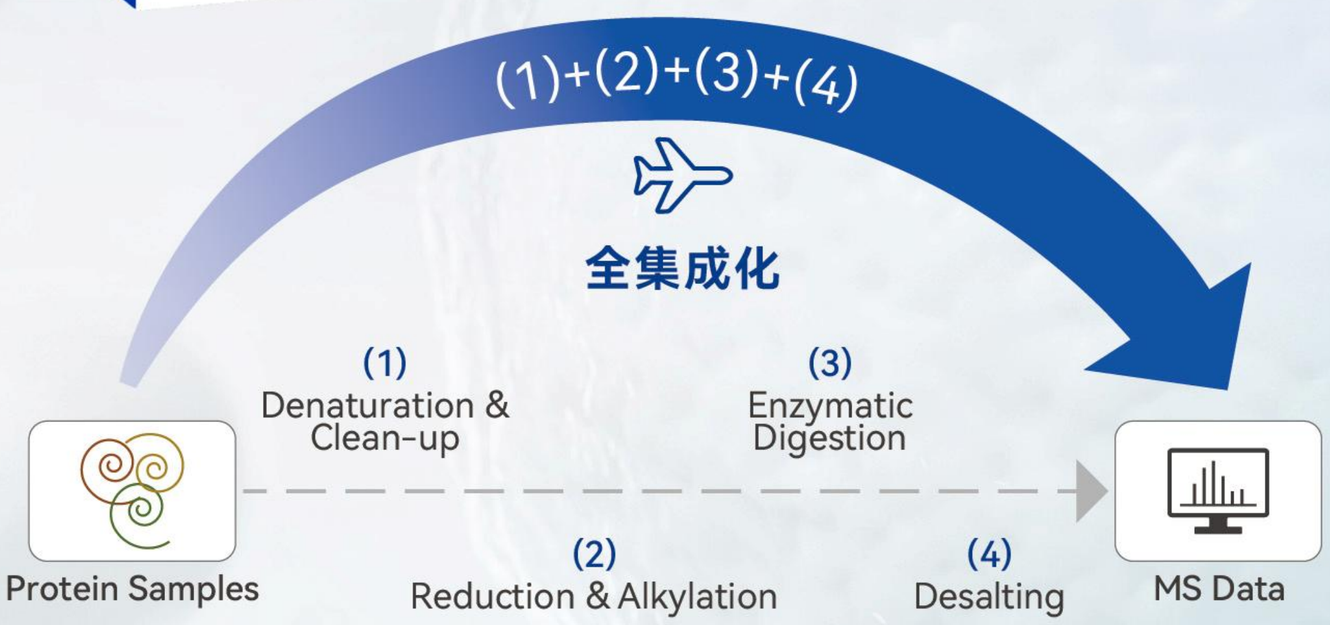
操作简便

集成提取、酶解、脱盐为一体，**6 个小时**内可完成 **24** 个超微量样本的前处理

重复性好

不同批次样本 **CV 值 < 10 %**，批次间 **Pearson 系数 > 0.93**





深圳市贝普奥生物科技有限公司
Shenzhen BayOmics Biotechnology Co., Ltd.
0755-2690 7483
contact@bayomics.com
深圳市南山区南山智园D3栋2层

性能展示

20 ng 蛋白上样量，DDA 数据采集模式，进行三批次实验。

高灵敏度

三组样本平均鉴定量
超过 3500

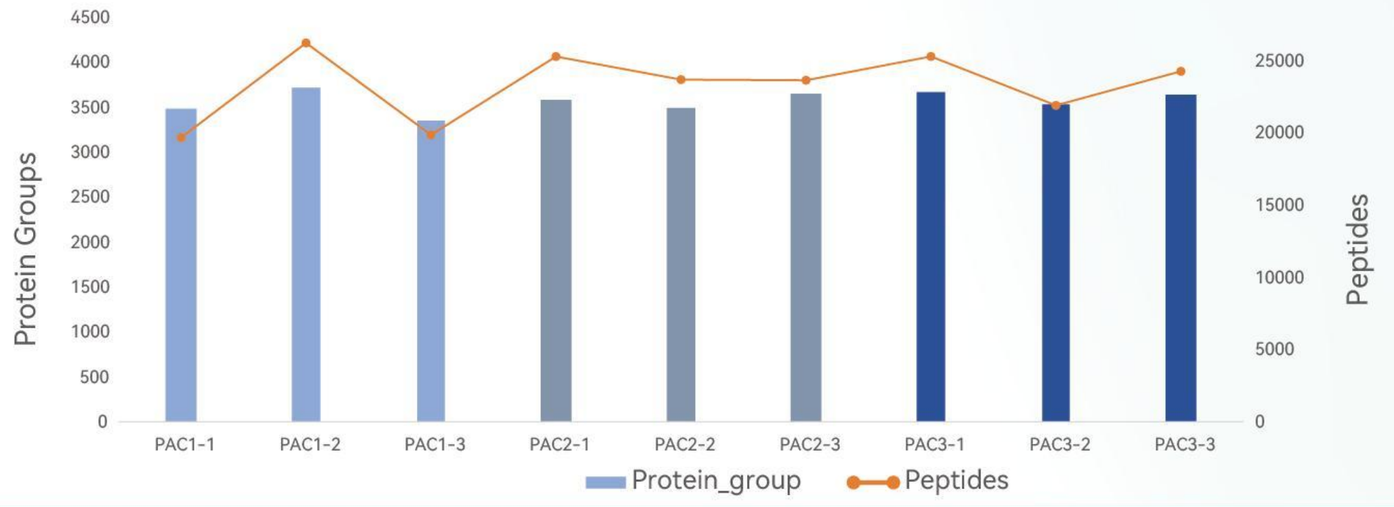


图 1. 20 ng 肽段、蛋白鉴定统计情况

高稳定性

三组样本有较好重复性，**CV 值均小于 10%**

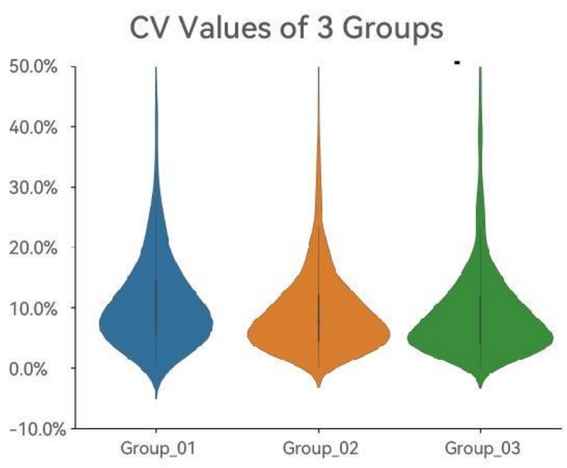


图 2. CV 值箱线图

高重复性

三组重复性**均大于 0.93**

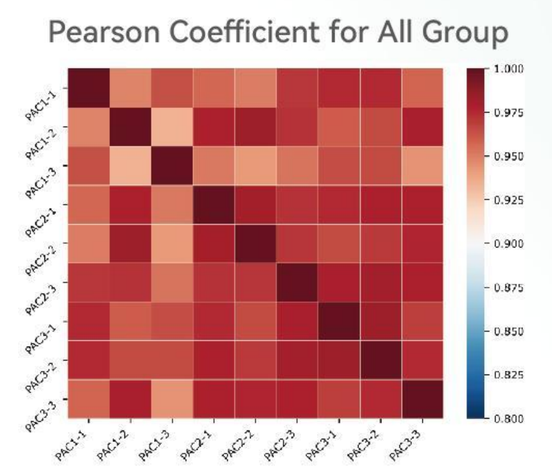


图 3. 重复性热图

实测数据展示

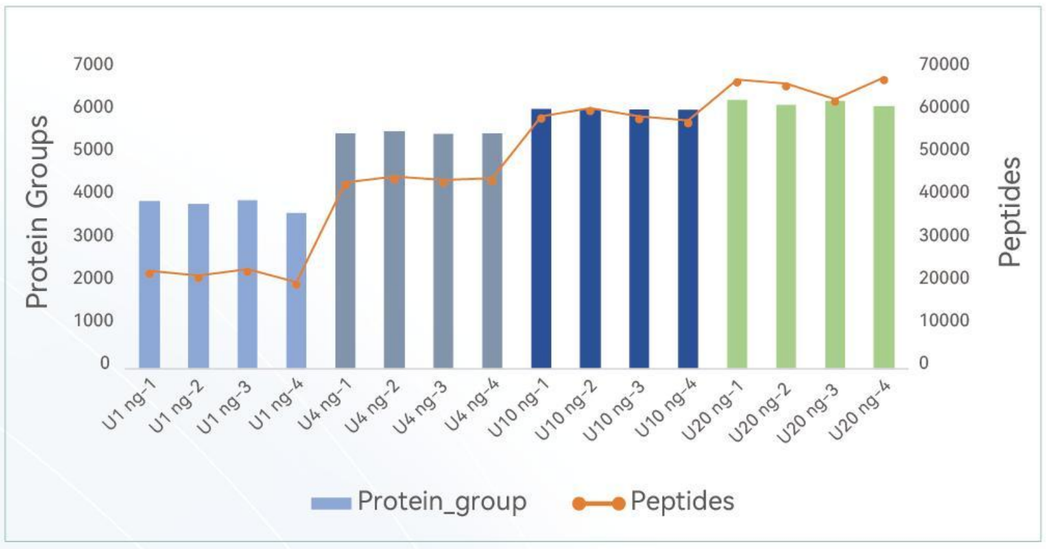


图 4

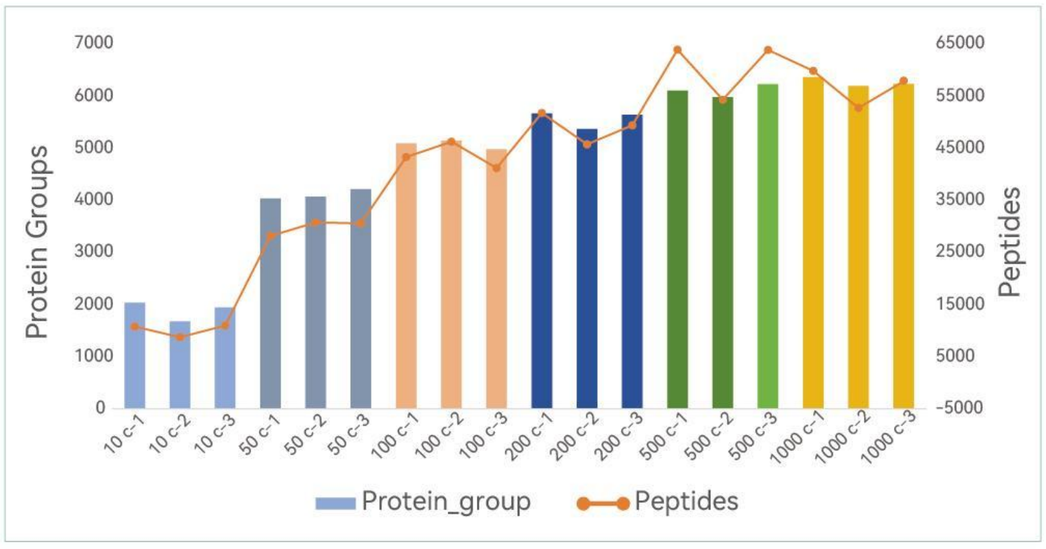


图 5

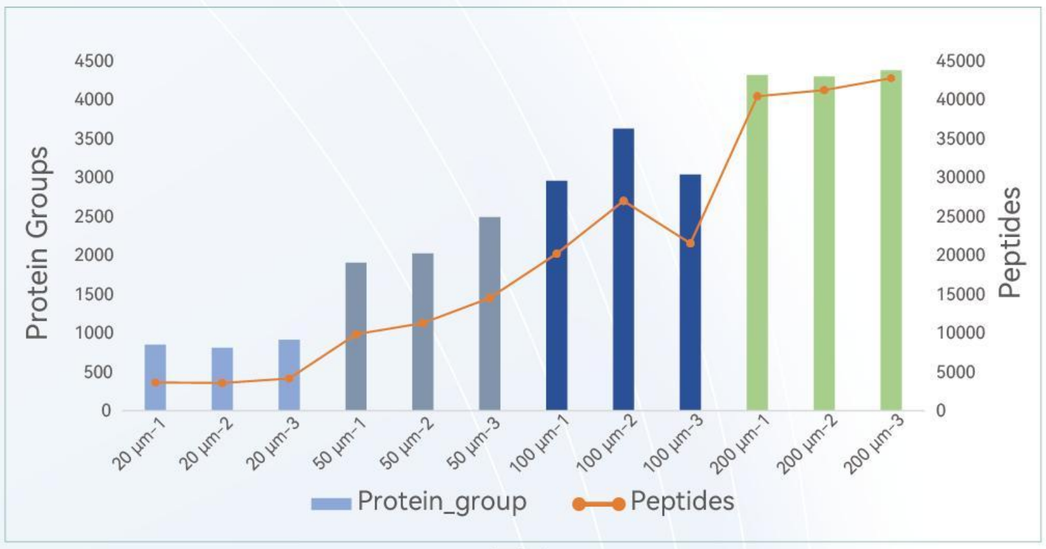


图 6

图 4. 1~20 ng 蛋白样本（timsTOF Ultra）肽段、蛋白鉴定统计

图 5. 10~1000 个细胞样本（timsTOF pro）肽段、蛋白鉴定统计

图 6. 20~200 μm 组织切片（timsTOF pro）肽段、蛋白鉴定统计

相关文献

- Deep spatial proteomics reveals region-specific features of severe COVID-19-related pulmonary injury, Cell Rep., 2024, 43(2):113689.
- Multimodal single cell-resolved spatial proteomics reveals pancreatic tumor heterogeneity, bioRxiv, 2023, 565590.
- Mixed-mode ion exchange-based integrated proteomics technology for fast and deep plasma proteome profiling, J. Chromatogr. A, 2018, 1564:76-84.
- 3D-SISPROT: A simple and integrated spintip-based protein digestion and three-dimensional peptide fractionation technology for deep proteome profiling, J. Chromatogr. A, 2017, 1498:207-214.
- Simple and integrated spintip-based technology applied for deep proteome profiling, Anal. Chem., 2016, 88(9):4864-71.